

Dati Personali

Nazionalità Italiana
Nato il 28 Giugno 1984 a Torino
Telefono 011 670 6781
Indirizzo elettronico livio.bioglio@di.unito.it
Homepage www.di.unito.it/~biogliol

Situazione Professionale

Da Luglio 2017 Assegnista di Ricerca
Presso il Dipartimento di Informatica dell'Università di Torino, Torino, Italia
Attività di Ricerca Sistemi Complessi, Diffusione Informazioni, Privacy

Formazione

Durante gli anni dal 2003 al 2006 ho frequentato il corso di laurea in Informatica presso l'Università degli Studi di Torino, ottenendo il titolo nel Dicembre 2006. In seguito ho frequentato il corso di laurea magistrale in Metodologie e Sistemi Informatici presso la medesima università sino al Luglio 2009. Dopo la laurea magistrale, ho continuato i miei studi presso la scuola di dottorato in Scienza ed Alta Tecnologia – Indirizzo Informatica dell'Università degli Studi di Torino, ottenendo il titolo di Dottore di Ricerca nel Marzo del 2013.

Gennaio 2010 – *Dottorato di Ricerca* in [Scienza ed Alta Tecnologia – Indirizzo Informatica](#),
Marzo 2013 Università degli Studi di Torino (Italia)

Titolo della tesi Type Disciplines for Systems Biology

Supervisore Prof. Mariangiola Dezani

Dicembre 2006 *Laurea Magistrale* in [Metodologie e Sistemi Informatici](#), Università degli Studi di
– Luglio 2009 Torino (Italia)

Voto 110/110 e lode

Titolo della tesi Tipi per Sistemi Biologici

Relatore Prof. Mariangiola Dezani

Ottobre 2003 – *Laurea* in [Informatica](#), Università degli Studi di Torino (Italia)
Dicembre 2006

Voto 110/110 e lode

Titolo della tesi Sviluppo di un Prototipo per l'analisi del ritmo di battitura della tastiera

Relatore Prof. Daniele Gunetti

Durante i miei studi ho approfondito la mia formazione partecipando a scuole e corsi di formazione, tenuti da insegnanti provenienti da università e centri di ricerca internazionali. In particolare mi sono concentrato sui corsi pratici di programmazione parallela e High Performance Computing tenuti presso i PATC, i centri di formazione del progetto PRACE (Partnership for Advanced Computing in Europe). Di seguito sono elencati i corsi e le scuole principali che ho frequentato.

Attività Formative

7-18 Aprile [Complex Networks Thematic School](#), Les Houches Conference Center, Les
2014 Houches (Francia)

10-12 Marzo [C-C++ Multicore Application Programming](#), Maison de la Simulation, Gif-sur-

- 2014 Yvette (Francia)
- 11-15 Febbraio 2013 [Advanced School on Parallel Computing](#), CINECA, Bologna (Italia)
- 25-26 Ottobre 2012 [Introduction to GPGPU and CUDA programming](#) CINECA, Bologna (Italia)
- 2-13 Luglio 2012 [Summer School of Parallel Computing](#), CINECA, Bologna (Italia)
- 5-9 Marzo 2012 [JAIST – Formal Reasoning: Theory and Application](#), Kanazawa (Giappone)
- 18-29 Luglio 2011 [Mathematical Modeling of Complex Systems](#), Patras (Grecia)
- 1-12 Marzo 2010 [Bertinoro International Spring School \(BISS\)](#), Bertinoro (Italia)

Attività di Ricerca

Durante il dottorato la mia attività di ricerca si è concentrata sull'applicazione delle idee e degli strumenti della Teoria dei Tipi alla Systems Biology Computazionale, un campo di ricerca che si occupa della modellazione di sistemi biologici attraverso formalismi e strumenti informatici.

I sistemi biologici, al pari di altri sistemi complessi, vengono solitamente studiati attraverso modelli matematici, ma a volte la soluzione di tali modelli risulta troppo complessa, ed inoltre non risultano adatti a modellare la natura aleatoria ed oscillatoria di alcuni sistemi. Pertanto i ricercatori hanno iniziato a sfruttare simulazioni al computer e modelli di analisi informatici per studiare i sistemi biologici, progettando formalismi ad hoc per la descrizione di tali sistemi. Questi formalismi sono formati da una sintassi, che descrive il formato del modello, e da una semantica, che specifica come il modello può cambiare il proprio stato attraverso una serie di regole di evoluzione. La mia ricerca di dottorato si inserisce in questo ambito, estendendo questi formalismi con una disciplina di tipo che descriva alcune caratteristiche biologiche del sistema. L'obiettivo è assicurare la correttezza del modello secondo le proprietà espresse attraverso i tipi, per rendere il formalismo più generico e flessibile, ed il modello risultante più semplice da analizzare.

Nella mia ricerca ho studiato diversi approcci al problema. Il primo, più familiare per chi scrive codice, è un approccio orientato agli oggetti: i tipi sono delle classi, da assegnare alle varie molecole del sistema in base alla loro funzione. Ogni classe può contenere al suo interno una serie di metodi parametrizzati, che si traducono in una o più reazioni chimiche modellate attraverso delle regole di evoluzione scritte secondo la semantica del formalismo utilizzato. Le regole di evoluzione del modello saranno solo quelle ottenibili attraverso la chiamata di questi metodi: in questo modo le regole ammesse nel modello saranno soltanto quelle che rispettano le proprietà biologiche descritte attraverso le classi.

L'approccio precedente limita la possibilità di scrivere delle regole al momento della stesura del modello, ma è possibile utilizzare un approccio differente, che selezioni tra tutte le regole del modello quelle che ne preservino la correttezza biologica. Questo approccio è quello che ho maggiormente esplorato, applicandolo ad un formalismo proposto, tra gli altri, da un membro del nostro gruppo di ricerca, il Calculus of Looping Sequences (CLS): la sua caratteristica principale è la possibilità di esprimere sequenze ordinate di elementi, ed in particolare sequenze chiuse (chiamate looping sequences) che permettono di modellare membrane e compartimenti chiusi. In collaborazione con il mio supervisore ed il suo gruppo abbiamo esteso il CLS con una disciplina di tipo che permette di specificare, per ogni tipo di elemento del modello, un insieme di tipi di elementi richiesti per la sua presenza, ed una serie di tipi di elementi esclusi, ossia che non possono essere presenti all'interno della stessa membrana in cui l'elemento di quel tipo è contenuto. In seguito ho proposto un'estensione di questa disciplina, che permette di specificare, per ogni tipo di elemento, il numero massimo e minimo degli altri tipi che la presenza dell'elemento può sopportare: questa disciplina risulta più flessibile della precedente, e può venire applicata a casi biologici complessi come l'omeostasi (mantenimento di certe condizioni all'interno di un intervallo di valori). Per entrambe le discipline di tipo ho dimostrato formalmente la correttezza

delle regole di riduzione e del meccanismo di inferenza, che permette di derivare i tipi corretti delle variabili nelle regole di riduzione, e semplificare il meccanismo di selezione delle regole corrette. Un terzo approccio possibile è quello ibrido, che utilizzi delle limitazioni sia nella fase di stesura del modello sia in fase di evoluzione. Per ottenere questo risultato abbiamo esteso il CLS aggiungendo le regole locali, regole che possono essere poste come elementi all'interno del sistema, ma con un'applicabilità limitata al compartimento in cui si trovano, a differenza delle regole standard del formalismo (chiamate regole globali) che possono essere applicate in ogni parte del modello. Ad ogni elemento del modello, regole locali comprese, sono associate delle *features*, e alle membrane è associato l'insieme delle *features* ammesse al suo interno: la disciplina di tipo controlla che ogni membrana contenga al suo interno solo le *features* ammesse. Al momento della stesura del modello, una regola locale è definibile solo se la sua applicazione rispetta la correttezza del sistema, mentre durante l'evoluzione del modello una regola globale può essere applicata solo se la sua applicazione rispetta la correttezza del sistema.

Durante il dottorato ho collaborato a ricerche in un università estere attraverso due periodi di visita. Sono stato ospite della Professoressa Adriana Compagnoni presso lo Stevens Institute of Technology di Hoboken (New Jersey), con la quale ho collaborato allo sviluppo di BioScape, un linguaggio, basato sul pi-calcolo, per la simulazione stocastica di processi biologici in un ambiente spaziale tridimensionale. In particolare mi sono occupato della dimostrazione di riducibilità tra BioScape e 3pi, un estensione tridimensionale del pi-calcolo proposta da Cardelli e Gardner. In seguito ho partecipato al progetto NII International Internship del National Institute of Informatics di Tokyo (Giappone), grazie al quale ho avuto modo di collaborare con il Professor Makoto Tatsuta alla dimostrazione del Lemma for Adjacent Replacement Paths, un teorema del Lambda Calcolo, mediante il proof assistant HOL4.

Dopo il dottorato ho continuato le mie ricerche nel campo dei sistemi complessi, ma nell'ambito dell'epidemiologia, collaborando dal Giugno 2013 al Febbraio 2016 con Vittoria Colizza, prima presso la Fondazione ISI di Torino, in seguito presso l'istituto di Epidemiologia e Salute Pubblica Pierre Louis di Parigi, ed infine all'Istituto Francese di Sanità Pubblica (INVS, ora Santé publique France), allo sviluppo di un software orientato agli agenti per la diffusione dell'influenza in Francia. L'obiettivo è stato la creazione di una popolazione virtuale che modellasse il più possibile quella reale, ed utilizzare questa popolazione virtuale per esplorare diversi scenari epidemici, e le possibili contromisure. A questo proposito, il sistema crea un individuo virtuale, e gli assegna un domicilio, in base alle statistiche sulla composizione delle famiglie, ed un luogo di lavoro/studio, in base ai dati sul pendolarismo: i dati utilizzati per la creazione della popolazione provengono dall'Istituto Nazionale Francese di Statistica. Una volta disponibile la popolazione virtuale, il sistema simula la possibile diffusione del virus al suo interno attraverso il metodo Monte-Carlo, calcolando la probabilità di infezione per ogni individuo in base al numero di individui infettivi che incontra nel proprio domicilio, nel luogo di lavoro/studio e nella comunità in cui questi luoghi si trovano. Il sistema inoltre prende in considerazione anche gli spostamenti aerei all'interno della Francia. Data la grande mole di dati da processare, il software fa uso di tecniche di programmazione concorrente e distribuita, di librerie per la programmazione parallela come OPENMP e MPI, e di clusters dedicati all'High Performance Computing. Parallelamente, ho lavorato ad altri progetti di modellazione e simulazione della diffusione di malattie in diverse popolazioni.

Attualmente lavoro come assegnista di ricerca presso il Dipartimento di Informatica dell'Università degli Studi di Torino sotto la supervisione di Ruggero G. Pensa. Il mio progetto di ricerca sfrutta le conoscenze di modellazione epidemiologica acquisite durante il precedente periodo di post-doc per studiare la diffusione di informazioni su reti sociali. L'obiettivo è di studiare il ruolo dell'attenzione alla privacy degli individui della rete nella diffusione di informazioni personali, attraverso l'estensione di modelli standard di diffusione delle malattie e l'utilizzo di simulazioni mediante calcolatore.

Riassumo le mie esperienze di ricerca, oltre al conseguimento del Dottorato, nell'elenco seguente.

Esperienze di Ricerca

- Luglio 2017 - [Università di Torino, Dipartimento di Informatica](#) (Torino, Italia). Assegnista di presente Ricerca
- Marzo 2017 - [Università di Torino, Dipartimento di Informatica](#) (Torino, Italia). Borsista di
Giugno 2017 Ricerca
- Marzo 2016 - [Università di Torino, Dipartimento di Informatica](#) (Torino, Italia). Assegnista di
Febbraio 2017 Ricerca
- Luglio 2015 - [Istituto Francese di Sanità Pubblica \(INVS\)](#) (Parigi, Francia). *PostDoc* – progetto
Febbraio 2016 HARMSflu
- Novembre 2013 [Istituto di Epidemiologia e Salute Pubblica Pierre Louis](#) (Parigi, Francia).
- Luglio 2015 *PostDoc* – progetto HARMSflu
- Giugno - [Fondazione ISI](#) (Torino, Italia). *Borsa da Ricerca* - progetti EpiFor e
Ottobre 2013 PREDEMICS
- Gennaio - [National Institute of Informatics](#) (Tokyo, Giappone). *Internship* sotto il programma
Maggio 2012 NII International Internship Program
- Novembre - [Stevens Institute of Technology](#) (Hoboken, New Jersey). *Internship* presso il
Dicembre 2011 Dipartimento di Informatica
- Luglio - [Università di Torino, Dipartimento di Informatica](#) (Torino, Italia). *Scholarship* -
Dicembre 2009 progetto "Developing white and green biotechnologies by converging platforms from biology and information technology towards metagenomics" presso il Dipartimento di Informatica

La mia attività di ricerca ha prodotto le pubblicazioni nell'elenco che segue.

Pubblicazioni su Rivista

- [Bioglio L.](#), Génois M., Vestergaard C.L., Poletto C., Barrat A., Colizza V., [Recalibrating disease parameters for increasing realism in modeling epidemics in closed settings](#) in *BMC Infectious Diseases* 16:676, 2016.
- Poletto C., Gomes M., Pastore y Piontti A., Rossi L., [Bioglio L.](#), Chao D., Longini I., Halloran M., Colizza V., Vespignani A., [Assessing the impact of travel restrictions on international spread of the 2014 West African Ebola epidemic](#) in *Eurosurveillance* 19:42, 2014.
- Compagnoni A., Sharma V., Bao Y., Libera M., Sukhishvili S., Bidinger P., [Bioglio L.](#), Bonelli e., [BioScape: A Modeling and Simulation Language for Bacteria-Materials Interactions](#), in *Electronic Notes in Theoretical Computer Science* 293, pp.35-49, 2013.
- [Bioglio L.](#), Dezani-Ciancaglini M., Giannini P. and Troina A., [Type Directed Semantics for the Calculus of Looping Sequences](#) in *International Journal of Software and Informatics (IJSI)*, vol.7, iss. 04, pp. 501-526, 2013.
- [Bioglio L.](#), Dezani-Ciancaglini M., Giannini P. and Troina A., [Typed Stochastic Semantics for the Calculus of Looping Sequences](#) in *Theoretical Computer Science*, vol. 431, pp. 165-180, 2012.
- [Bioglio L.](#), [Enumerated Type Semantics for the Calculus of Looping Sequences](#) in *RAIRO - Theoretical Informatics and Applications*, vol. 45, iss. 01, pp. 35-58, 2011.

Pubblicazioni in Conferenze

- [Bioglio L.](#), Pensa R., [Is this movie a milestone? Identification of most influential movies in the history of cinema](#), *6th International Conference on Complex Networks and Their Applications*, Lyon (France), Dec. 2017, to appear.

- [Bioglio L.](#), Rho V., Pensa R., [Measuring the Inspiration Rate of Topics in Bibliographic Networks](#), *International Conference on Discovery Science (DS'17)*, LNCS 10558, pp. 309-323, Kyoto (Japan), Oct. 2017.
- Pensa R., [Bioglio L.](#), [Your Privacy, My Privacy? On Leakage Risk Assessment in Online Social Networks](#), *1st International Workshop on Personal Analytics and Privacy (PAP'17)*, Skopje (Macedonia), Sep. 2017, to appear.
- [Bioglio L.](#), Pensa R., Rho V., [TrAnET: Tracking and Analyzing the Evolution of Topics in Information Networks](#), *European Conference on Machine Learning and Principles and Practice of Knowledge Discovery in Databases (ECML PKDD'17)*, Skopje (Macedonia), Sep. 2017, to appear.
- [Bioglio L.](#), Pensa R., [Impact of Neighbors on the Privacy of Individuals in Online Social Networks](#), *International Conference on Computational Science (ICCS'17)*, *Procedia Computer Science* 108, pp. 28-37, Zürich (Switzerland), Jun. 2017.
- [Bioglio L.](#), Pensa R., [Modeling the Impact of Privacy on Information Diffusion in Social Networks](#), *8th Conference on Complex Networks (CompleNet'17)*, *Springer Proceedings in Complexity*, pp. 95-107, Dubrovnik (Croatia), Mar 2017.
- [Bioglio L.](#) [A Minimal OO Calculus for Modelling Biological Systems](#), *Computational Models for Cell Processes (CompMod'11)*, *EPTCS* 67, pp. 50-64, Aachen (Germany), Sep. 2011.
- [Bioglio L.](#), Calcagno C., Coppo M., Damiani F., Sciacca E., Spinella S., and Troina A., [A Spatial Calculus of Wrapped Compartments](#), *5th Workshop on Membrane Computing and Biologically Inspired Process Calculi (MeCBIC'11)*, arXiv:1108.3558v2, pp. 25-39, Paris (France), Aug. 2011.
- [Bioglio L.](#), Dezani-Ciancaglini M., Giannini P. and Troina A., [A Calculus of Looping Sequences with Local Rules](#), *7th Workshop on Developments in Computational Models (DCM'11)*, *EPTCS* 88, pp. 43-58, Zurich (Switzerland), Jul. 2011.
- [Bioglio L.](#), [Typed Reductions of CLS](#), *Italian Conference on Theoretical Computer Science (ITCTS'09)*, Cremona (Italy), Sep. 2009.

Tra le pubblicazioni a conferenze, quelle che ho presentato nel ruolo di relatore sono le seguenti:

Articoli presentati come relatore in Conferenze

- [Bioglio L.](#), Rho V., Pensa R., [Measuring the Inspiration Rate of Topics in Bibliographic Networks](#), *International Conference on Discovery Science (DS'17)*, LNCS 10558, pp. 309-323, Kyoto (Japan), Oct. 2017.
- [Bioglio L.](#), Pensa R., Rho V., [TrAnET: Tracking and Analyzing the Evolution of Topics in Information Networks](#), *European Conference on Machine Learning and Principles and Practice of Knowledge Discovery in Databases (ECML PKDD'17)*, Skopje (Macedonia), Sep. 2017, to appear.
- [Bioglio L.](#), Pensa R., [Impact of Neighbors on the Privacy of Individuals in Online Social Networks](#), *International Conference on Computational Science (ICCS'17)*, *Procedia Computer Science* 108, pp. 28-37, Zürich (Switzerland), Jun. 2017.
- [Bioglio L.](#), Pensa R., [Modeling the Impact of Privacy on Information Diffusion in Social Networks](#), *8th Conference on Complex Networks (CompleNet'17)*, *Springer Proceedings in Complexity*, pp. 95-107, Dubrovnik (Croatia), Mar 2017.
- [Bioglio L.](#) [A Minimal OO Calculus for Modelling Biological Systems](#), *Computational Models for Cell Processes (CompMod'11)*, *EPTCS* 67, pp. 50-64, Aachen (Germany), Sep. 2011.
- [Bioglio L.](#), [Typed Reductions of CLS](#), *Italian Conference on Theoretical Computer Science (ITCTS'09)*, Cremona (Italy), Sep. 2009.

La mia attività di ricerca ha prodotto i seguenti abstract presentati a conferenze, ma non pubblicati sui proceedings, di cui sono stato anche relatore.

Articoli presentazioni come relatore in Conferenze

- [Bioglio L.](#), Pensa R., [Rumor Spreading in Social Networks with Individual Privacy Policies](#), *Conference on Complex Systems (CCS'16)*, Amsterdam (Netherlands), 19-22 Sep. 2016.
- [Bioglio L.](#), Génois M., Vestergaard C. L., Poletto C., Barrat A., Colizza V., [Analysis of Homogeneous Mixing Assumption for Infectious Disease Spread in Real Locations](#), *Conference on Complex Systems (CCS'15)*, Tempe (AZ, United States), 28 Sep-2 Oct 2015.

Poster presentati come relatore in Conferenze

- [Bioglio L.](#), Génois M., Poletto C., Barrat A., Colizza V., [Homogeneous Mixing of Face-To-Face Contacts in Real Locations](#), *International School and Conference on Network Sciences (NetSci'15)*, Zaragoza (Spain), 1-5 Jun. 2015.

Le seguenti pubblicazioni su rivista sono in attesa di revisione:

Articoli sottomessi a rivista in attesa di revisione

- Pensa R., Di Blasi G., [Bioglio L.](#), [Context-aware Privacy Risk Estimation in Online Social Network](#), submitted to *Engineering Applications of Artificial Intelligence* (Sep 2017).
- [Bioglio L.](#), Capecchi S., Peiretti F., Sayed D., Torasso A, Pensa R., [A Gamification Approach for Educating on Privacy Awareness in Online Social Networks](#), submitted to *IEEE Transactions on Learning Technologies* (Jul 2017).

Ho partecipato a diversi progetti di ricerca, nazionali ed internazionali, che elenco di seguito.

Partecipazione a progetti di ricerca nazionali

- Partecipazione al progetto [BioBITs](#) (Developing White and Green Biotechnologies by Converging Platforms from Biology and Information Technology towards Metagenomics, <http://www.biobits.di.unipmn.it>), finanziato dalla Regione Piemonte dal 2009 al 2012.

Partecipazione a progetti di ricerca internazionali

- Partecipazione al progetto [EpiFor](#) (Complexity and predictability of epidemics: toward a computational infrastructure for epidemic forecasts, <http://epifor.isi.it>), finanziato dalla Comunità Europea – bando ERC dal 2008 al 2013.
- Partecipazione al progetto [Predemics](#) (Preparedness, Prediction and Prevention of Emerging Zoonotic Viruses with Pandemic Potential using Multidisciplinary Approaches, <https://predemics.biomedtrain.eu/cms/>), finanziato dalla Comunità Europea – bando FP7 dal 2007 al 2013.
- Partecipazione al progetto [HARMS-flu](#) (Harmonising multiple scales for data-driven computational approaches to the modeling of influenza spread, <http://www.harmsflu.org>), finanziato dall'ANR (Agence Nationale de la recherche, Francia) dal 2012 al 2015.

Durante la mia attività di ricerca ho avuto modo di revisionare diversi articoli scientifici, in veste di membro del comitato di programma in conferenze o di revisore per riviste e conferenze.

Membership in comitati di programma

- [Membro del comitato di programma](#) della conferenza internazionale Social Informatics (Socinfo) 2017, Oxford (United Kingdom), 13-15 Sep. 2017.

Revisore per articoli

- [Revisore](#) per la rivista internazionale Elsevier Journal of Computational Science.
- [Sub-reviewer](#) per la conferenza internazionale SIAM International Conference on Data Mining (SDM) 2018, 3-5 May 2018, San Diego, CA (USA).
- [Sub-reviewer](#) per la conferenza internazionale AAAI Conference on Artificial Intelligence (AAAI) 2018, 2-7 Feb. 2018, New Orleans, LA (USA).
- [Sub-reviewer](#) per la conferenza internazionale Conference on Information and Knowledge Management (CIKM) 2017, 6-10 Nov. 2017, Singapore.
- [Sub-reviewer](#) per la conferenza internazionale Discovery Science (DS) 2017, 15-17 Oct. 2017, Kyoto (Japan).
- [Sub-reviewer](#) per la conferenza internazionale International Symposium on Methodologies for Intelligent Systems (ISMIS) 2017, 26-29 Jun. 2017, Warsaw (Poland).
- [Sub-reviewer](#) per la conferenza internazionale IEEE/ACM International Conference on Advances in Social Networks Analysis and Mining (ASONAM) 2016, 18-21 Aug. 2016, San Francisco, CA (USA).
- [Sub-reviewer](#) per la conferenza internazionale Social Informatics (Socinfo) 2016, 14-17 Nov. 2016, Bellevue, WA (USA).
- [Sub-reviewer](#) per la conferenza internazionale International Symposium on Mathematical Foundations of Computer Science (MFCS), 24-28 Aug. 2015, Milano (Italy).

La mia tesi di dottorato ha ricevuto un premio come migliore tesi da parte del capitolo italiano dell'Associazione Europea di Informatica Teorica:

Premi

- [Best Italian PhD Theses in Theoretical computer Science](#), da *European Association for Theoretical Computer Science (EATCS) – Italian Chapter*, 2014.

Attività di Insegnamento

Dal 2005 ad oggi ho partecipato come assistente, esercitatore e tutor a diversi corsi d'insegnamento in Informatica nell'Università degli Studi di Torino, sia presso il Dipartimento di Informatica sia presso altri dipartimenti e facoltà. Negli anni ho accumulato più di 450 ore di esperienza nella didattica universitaria. Di seguito elenco i corsi a cui ho collaborato, specificando con quale ruolo, la durata della collaborazione, il nome del Professore titolare del corso ed una sintesi dei contenuti del corso.

Ottobre 2016 - [Abilità informatiche](#), 24 ore; Università degli Studi di Torino, Dipartimento di Scienze delle Attività Motorie e Sportive (Torino, Italia)

Ruolo *Titolare del corso*: didattica frontale, preparazione del materiale didattico, stesura e correzione esami.

Argomenti del corso Nozioni base di informatica: logica, hardware, software, reti, basi di dati, sicurezza.

Ottobre 2016 - [Tecnologie Web](#), 14 ore (Prof. Francesco Bergadano); Università degli Studi di Torino, Scuola di Amministrazione aziendale - SAA (Torino, Italia)

Ruolo *Didattica Integrativa*: didattica frontale, ricevimento studenti.

- Argomenti del corso* Creazione e gestione di un CMS Wordpress.
- Marzo 2017 - [Sistemi informativi e gestione delle reti aziendali](#), 23 ore (Prof. Daniele Manini); Università degli Studi di Torino, Scuola di Amministrazione aziendale - SAA (Torino, Italia)
- Ruolo* *Tutorato*: didattica frontale durante le ore di tutoraggio, ricevimento studenti.
- Argomenti del corso* Progettazione concettuale e logica di una base dati, gestione di reti aziendali.
- Settembre 2016 - [Tecnologie Web](#), 56 ore (Prof. Giancarlo Ruffo); Università degli Studi di Torino, Scuola di Amministrazione aziendale - SAA (Torino, Italia)
- Febbraio 2017
- Ruolo* *Didattica Integrativa*: didattica frontale, ricevimento studenti.
- Argomenti del corso* Nozioni base di reti informatiche e delle principali tecnologie web, creazione e gestione di un CMS Wordpress.
- Febbraio 2013 - [Laboratorio di Alfabetizzazione Informatica](#), 60 ore (Prof. Luca Console);
Febbraio 2014 Università degli Studi di Torino, Facoltà di Lettere e Filosofia (Torino, Italia)
- Ruolo* *Didattica Integrativa*: preparazione delle slides del corso e di esercizi, didattica frontale, ricevimento studenti, preparazione e correzione degli esami.
- Argomenti del corso* Funzioni base per l'utilizzo del computer: Windows, Internet e Posta Elettronica, fogli di testo in Word, fogli di calcolo in Excel.
- Marzo- Luglio 2013 [Informatica I](#), 75 ore (Prof. Stefano Berardi); Università degli Studi di Torino, Dipartimento di Matematica (Torino, Italia)
- Ruolo* *Esercitatore*: preparazione di esercizi, didattica frontale durante le ore di tutoraggio, ricevimento studenti, affiancamento del Professore titolare durante gli esami.
- Argomenti del corso* Programmazione di base in C/C++: funzioni di input/output, condizioni, cicli, dichiarazioni di funzione, array statici e dinamici, ricorsione.
- Marzo - Ottobre 2012 [Laboratorio di Alfabetizzazione Informatica](#), 60 ore (Prof. Luca Console);
Università degli Studi di Torino, Facoltà di Lettere e Filosofia (Torino, Italia)
- Ruolo* *Didattica Integrativa*: preparazione delle slides del corso e di esercizi, didattica frontale, ricevimento studenti, preparazione e correzione degli esami.
- Argomenti del corso* Funzioni base per l'utilizzo del computer: Windows, Internet e Posta Elettronica, fogli di testo in Word, fogli di calcolo in Excel.
- Ottobre 2007 - [Programmazione 2](#), 50 ore (Prof. Luca Paolini); Università degli Studi di Torino, Dipartimento di Informatica (Torino, Italia)
- Ottobre 2008
- Ruolo* *Assistente*: affiancamento del Professore titolare durante le ore di esercitazione e gli esami.
- Argomenti del corso* Programmazione avanzata in Java: programmazione orientata agli oggetti, funzioni ricorsive, strutture dati di base (liste ed alberi), meccanismi di gestione degli errori (eccezioni), concetti di base di ereditarietà.
- Ottobre 2006 - [Sistemi Operativi](#), 50 ore (Prof. Daniele Gunetti); Università degli Studi di Torino, Dipartimento di Informatica (Torino, Italia)
- Ottobre 2007
- Ruolo* *Assistente*: affiancamento del Professore titolare durante le ore di esercitazione e gli esami.
- Argomenti del corso* Introduzione ad Unix (comandi, shell, filesystem, diritti di accesso). Programmazione in C in ambiente Unix: la libreria posix, processi, primitive di programmazione concorrente e distribuita in ambiente Unix (semafori, memoria condivisa), threads.
- Ottobre 2005 - [Linguaggi di Programmazione](#), 50 ore (Prof. Cristina Baroglio); Università degli Studi di Torino, Dipartimento di Informatica (Torino, Italia)
- Ottobre 2006

Ruolo Assistente: affiancamento del Professore titolare durante le ore di esercitazione e gli esami.

Argomenti del corso Programmazione di base in C: funzioni di input/output, condizioni, cicli, dichiarazioni di funzione, array statici e dinamici, ricorsione.

Co-relazione di Tesi

A partire dal 2016 ho supervisionato, in veste di co-relatore, la stesura di diverse tesi di laurea triennale presso il Dipartimento di Informatica dell'Università degli Studi di Torino.

- Settembre 2017 **Co-relatore** della tesi triennale di Paolo Maino dal titolo *Insegnamento della privacy nelle scuole attraverso Social4School:sviluppo delle app mobile*
- Settembre 2017 **Co-relatore** della tesi triennale di Gabriele Picco dal titolo *Sviluppo di una piattaforma Web e Mobile per la condivisione e analisi intelligente di articoli*
- Settembre 2017 **Co-relatore** della tesi triennale di Giuseppe Ruggiero dal titolo *Sviluppo di una piattaforma Web e Mobile per la condivisione e analisi intelligente di articoli*
- Settembre 2017 **Co-relatore** della tesi triennale di Davide Valsania dal titolo *Sviluppo di una piattaforma Web e Mobile per la condivisione e analisi intelligente di articoli*
- Aprile 2017 **Co-relatore** della tesi triennale di Gian Manuel Marino dal titolo *Privacy e social media nelle scuole: sviluppo delle applicazioni mobile per Social4School*
- Dicembre 2016 **Co-relatore** della tesi triennale di Daniele Scanu dal titolo: *Sensitag - un sistema di crowdsourcing multipiattaforma per la privacy sensitivity inference*

Responsabilità Amministrative

Tra il 2011 ed il 2013 sono stato eletto rappresentante degli studenti per la Scuola di Dottorato in Scienza e Alta Tecnologia dell'Università degli Studi di Torino. In qualità di rappresentante ho partecipato alle riunioni del Consiglio della Scuola, a cadenza circa trimestrale, nelle quali esprimevo le opinioni dei miei colleghi di corso, prendevo parte alle decisioni della scuola, proponevo azioni ed attività destinate ai dottorandi.

2011–2013 **Rappresentante degli studenti** presso la Scuola di Dottorato in Scienza ed Alta Tecnologia dell'Università degli Studi di Torino

Lingue

Italiano: Madre lingua; *Inglese*: letto, scritto e parlato; *Francese*: base; *Giapponese*: principiante.

Certificazioni Japanese Language Proficiency Test (JLPT) – level 4, 2008
Preliminary English Test (PET), 2002

Informativa ai sensi dell'art.13 del D.Lgs 196/2003:

i dati sopra riportati sono prescritti dalle disposizioni vigenti ai fini del procedimento per il quale sono richiesti e verranno utilizzati esclusivamente per tale scopo.

Luogo e data

Firma